

۲۸- معرفی نژاد جدید طیور بومی با استفاده از روش های مختلف اصلاحی از قبیل انتخاب ژنومی، توالی یابی ژنوم و ویرایش ژنوم (با تاکید بر مرغ لاین آراین و سایر ماکیان)

۲۸-۱- واحد تهیه کننده: پژوهشگاه بیوتکنولوژی کشاورزی

ایجاد سوبه های ژنتیکی پربازده جانوری (دام، طیور، آبزیان) مبتنی بر روش های اصلاح مولکولی
موسسات تحقیقاتی مرتبط: مؤسسه تحقیقات علوم دامی کشور، مؤسسه تحقیقات علوم شیلاتی کشور، مرکز اصلاح نژاد دام

نگارندگان: محمدرضا غفاری، رضا طالبی، رامین صیقلانی، مهرشاد زین العابدینی، محسن مردی

❖ بیان چالش و مسئله مهم موجود در کشاورزی و منابع طبیعی

تا سال ۲۰۵۰ جمعیت جهان به بیش از ۹ میلیارد نفر افزایش می یابد. بنابراین بروز چالش های اقلیمی و کمبود منابع انرژی در سرتا سر دنیا، بهینه سازی سیستم های کشاورزی و افزایش بهره وری در تولیدات دامی یک امر اجتناب ناپذیر خواهد بود. نرخ پایین بازدهی و عملکرد نامطلوب نژادهای بومی در کشور اعم از دام، طیور و آبزیان، نقش واردات این قبیل محصولات (موجود زنده، ماده ژنتیکی، گوشت، تخم مرغ و تولیدات پروتئینی) به منظور تامین نیازهای بازار را به کشور بسیار برجسته نموده است. بطوریکه هر عاملی که منجر به عدم تأمین نیازهای غذایی و پروتئینی انسان شود در ابتدا به تهدید امنیت غذایی جامعه و در نهایت منجر به تهدید امنیت اجتماعی و سیاسی آن کشور بدل خواهد شد. در اصلاح نژاد کلاسیک، بدلیل اطلاعات آماری ناکافی و غیردقیق از افراد و تعداد نسل های ثبت شده در شجره (عمق شجره)، منجر به ارزیابی و انتخاب های نادرست در روند بهبود عملکرد نژادهای بومی شده است. با اینحال علیرغم انجام اصلاح نژاد به روش های کلاسیک و کمی طی سالیان متمادی، همچنان با کاهش عملکرد و سودآوری پایین نژادهای بومی روبرو هستیم. این موضوع اهمیت سرمایه گذاری در فناوری های مدرن و پیشرفته اصلاح مولکولی مبتنی بر اطلاعات DNA (روش های ژنومی) در تشخیص سریع و دقیق به منظور بهبود عملکرد تولیدات دام، طیور و آبزیان را بسیار برجسته می کند.

❖ اهمیت اقتصادی-اجتماعی فناوری و قدرت آن در ایجاد تحول در کشاورزی و امنیت غذایی

بخش کشاورزی نقش قابل توجهی در اشتغال کشور (بیش از ۲۰ درصد)، ارزش تولید ناخالص داخلی، صادرات غیرنفتی، تامین مواد غذایی و امنیت غذایی برای جامعه دارد. صفات تولیدی به وسیله جایگاه های ژنی مختلف کنترل می شوند یعنی تحت تاثیر توارث پلی ژنی هستند. لذا انتخاب های کلاسیک و صرفاً کمی در بهبود این قبیل صفات تولیدی ناکافی و نیاز به انتخاب های ژنومی (انتخاب مبتنی بر اطلاعات ژنوم) بسیار قابل توجه است. انتخاب بر اساس ارزش های اصلاحی ژنومی (GBVs) در مقایسه با استفاده از سوابق شجره نامه می تواند نرخ بهره ژنتیکی و عملکرد گونه های جانوری را بهبود بخشد و به روشی گسترده برای رتبه بندی والدین برای اهداف اصلاحی تبدیل شود. امروزه علم ژنتیک مولکولی با استفاده از راهکارهای زیست فناوری کمک شایانی به علم اصلاح نژاد کرده است. ظهور تکنیک های توالی یابی DNA در سطوح ژنی و ژنومی توأم با دریافت اطلاعات عملکردی، منجر به شناسایی ارتباطات بین ژنوم و صفات عملکردی شده است. شناسایی واریانت های ژنی کنترل کننده صفات عملکردی و اقتصادی در سطح ژنوم موجود زنده، به روش های مبتنی بر ژنوم از قبیل پویس ژنومی (GWAS)، نشانه های انتخاب (SOS^۱)، و هوش مصنوعی (AI) امکان پذیر است. سپس اصلاح نژاد مولکولی مبتنی بر

⁰ Genomic Breeding Values

³ Genome Wide Association Study

³ Signatures of Selection

³ Artificial Intelligence

انتخاب (MAS³)، داخل‌سازی ژنی (Gene introgression)، آمیخته‌گری (Cross breeding)، تولید هیبریدهای ژنی و یا ویرایش ژنی (Gene editing) برای بهبود صفات عملکردی گونه‌های جانوری و یا تولید سویه‌های ژنتیکی جدید بصورت هدفمند در برنامه‌های اصلاحی دنبال خواهد شد. در اصلاح نژاد مولکولی می‌توان تنها با یک بار هزینه کردن، یک نژاد بومی پرتولید خالص با عملکرد خاص (پرتولیدی یا مقاوم به بیماری) تولید کرد که بعدها بسیاری از هزینه‌های پرورش از قبیل مصرف خوراک، داروها و واکسن‌ها، هورمون‌های تولیدمثلی، و غیره را کاهش داد. این موضوع سبب ایجاد علاقه در پرورش‌دهندگان دام، طیور و آبزیان، رونق صنعت دامپروری کشور و اشتغال‌زایی قابل توجه به طور مستقیم و غیرمستقیم در این حوزه می‌شود.

❖ ضروریات توسعه و به کارگیری فناوری در کشور

با توجه به گسترش روز افزون جمعیت جهان و افزایش تقاضا برای محصولات غذایی، به کارگیری فناوری‌های مدرن امری حیاتی به منظور افزایش بهره‌وری تولیدات دام، طیور و آبزیان می‌باشد. اصلاح ژنتیکی به روش مولکولی از اهداف و برنامه‌های در حال انجام موسسات بین المللی کشاورزی در کشورهای پیشرفته و صنعتی دنیا می‌باشد. به عنوان مثال موسسه تحقیقات بین المللی کشاورزی کشور فرانسه (INRAE³) برنامه‌های اصلاح نژاد مولکولی دام سبک را مبتنی بر شناسایی ژن‌ها و مسیرهای زیستی کنترل صفات اقتصادی از قبیل چندقلوزایی در گوسفند لاکون، مقاومت به بیماری‌های انگلی گوسفند، ترکیبات شیر و پنیر بز، حفظ ذخایر ژنتیکی بومی (پروژه ARDI)، سنتز سویه‌های ژنتیکی جدید (پروژه سنتز INRA 401) به منظور اهداف تحقیقاتی و پرورش، و ... می‌باشد. در استرالیا دانشگاه University of New England گروه علوم دامی اهداف تحقیقات را بر شناسایی ژن‌ها و مسیرهای زیستی کنترل کننده صفات کیفیت گوشت قبل از کشتار در دام سبک و سنگین، همچنین نقش ژنتیک در فرآوری گوشت پس از کشتار متمرکز کردند. یا مثلاً در راجع به صنعت آبزیان و اصلاح نژاد ماهی کمپانی‌های بسیاری از بریتانیا، ایالات متحده و نروژ به بهبود عملکرد رشد (نرخ رشد) ماهی در گونه‌های تیلاپیا و قزل آلا (رنگین کمان و قهوه‌ای) متمرکز شدند (<https://www.imarcgroup.com/largest-trout-companies-seafood-> industry). ایران نیز با توجه به نیازهای داخلی کشور و چشم‌اندازهای مدیریتی، یکسری برنامه‌ها را در صنعت دام، طیور و آبزیان برگرفته از اهداف ملی، منطقه‌ای و بین‌المللی مورد اولویت قرار داده است. از جمله برنامه‌های کشور برای افزایش بهره‌وری در دامپروری، مرغداری و شیلات، بهبود ژنتیکی نژادهای موجود در کشور به منظور افزایش سودآوری، امکان پرورش صنعتی، تجاری‌سازی و صادرات محصولات آن‌ها می‌باشد. به منظور تحقق برنامه‌های اصلاح ژنتیک مولکولی گونه‌های جانوری لذا دستیابی و گسترش فناوری‌های ۱ تا ۶ امری اجتناب‌ناپذیر است (بر اساس تصویر شماره ۱):

تولید پایگاه داده از اطلاعات عملکردی و ریخت‌شناختی از تمامی گونه‌های جانوری موجود در کشور^۳ اعم از تمامی نژادهای دام، طیور و آبزیان:

به منظور دستیابی به این فناوری نیازمند ثبت رکورد از قبیل ثبت اطلاعات عملکردی و ریخت‌شناختی برای تمامی گونه‌های زیستی جانوری و انواع نژادهای موجود در کشور هستیم. سپس این اطلاعات بایستی در یک پایگاه داده بومی (ملی) دیجیتال به منظور اهداف اصلاح نژادی، آموزشی، و مدیریت ذخایر ژنتیکی در داخل کشور حفظ و نگهداری شوند. اطلاعات عملکردی به عنوان مثال شامل عملکرد صفات وزن و رشد، تولید، لاشه، زنده‌مانی، سازگاری، ترکیبات بیوشیمیایی و متابولیت‌ها و ... می‌باشند. اطلاعات ریخت‌شناختی از قبیل اندازه، شکل ظاهری، رنگ، نوع پوشش، و ...

ایجاد بانک زیستی از تمامی گونه‌های جانوری موجود در کشور اعم از تمامی نژادهای دام، طیور و آبزیان:

³ Marker Assisted Selection 4
³ French National Institute for Agricultural Research
³ Functional 6
³ Morphological 7
³ Registering 8

به منظور دستیابی به این فناوری نیازمند ایجاد بانک خون، سرم، DNA، سلول و بافت از تمامی نژادهای دام، طیور و آبزیان هستیم. این بانک زیستی دارای کاربردهای تحقیقاتی، اصلاح ژنتیکی، پزشکی، تولید واکسن و داروهای انسانی و دامی و ...

تولید پایگاه اطلاعات ژنتیکی و ژنومی از تمامی گونه‌های جانوری موجود در کشور اعم از تمامی نژادهای دام، طیور و آبزیان به منظور دستیابی به این فناوری نیازمند ثبت اطلاعات ژنتیکی، اطلاعات ژنومی و تعیین ژنوتیپ تمامی نژادهای دام، طیور و آبزیان موجود در کشور هستیم. شناسایی این اطلاعات نیازمند فناوری‌های تعیین ژنوتیپ^۳ در قالب ژن‌ها، بخشی از ژنوم (PS^۳) و کل ژنوم (WGS^۴) آن گونه یا نژاد می‌باشد. این اطلاعات واریانتهای ژنتیکی به روش فناوری‌های تعیین ژنوتیپ به وسیله تراشه‌های ژنتیکی و یا توالی‌یابی از قبیل توالی‌یابی سانگر^۵، یا توالی‌یابی کل ژنوم به روش Illumina انجام خواهد شد. سپس^۶ این اطلاعات در یک پایگاه داده بومی (ملی) دیجیتال با عنوان پایگاه بیوتکنولوژی گونه‌های زیستی ملی ایران یا انسیب (NSIB^۶) به منظور اهداف اصلاح نژادی، آموزشی، و مدیریت ذخایر ژنتیکی در داخل کشور حفظ و نگهداری می‌شوند.

شناسایی ایجاد ارتباط بین واریانتهای ژنتیکی و اطلاعات عملکردی و ریخت‌شناختی ثبت شده:

با استفاده از روش‌های مختلف محاسباتی اعم از روش‌های آماری و طرح آزمایشات، پویس ژنومی (GWAS)، نشانه‌های انتخاب (SOS)، اطلاعات پیوستگی ژن‌ها (LDL) و ایجاد نقشه‌های ژنتیکی، مدل سازی و هوش مصنوعی ارتباط بین واریانتهای ژنتیکی و صفات ثبت شده شناسایی خواهند شد. نتایج حاصل به صورت نواحی کنترل کننده صفات کمی (QTL) و یا مارکرهای ژنتیکی به صورت جهش‌های نوکلئوتیدی (SNP) یا حذف (Deletion) و اضافه (Insertion) برای برنامه‌های اصلاح ژنتیکی در دسترس محققین قرار خواهند گرفت.

تایید عملکردی بودن (Functional) واریانتهای ژنتیکی شناسایی شده از ژن‌های کاندیدا:

به منظور تایید عامل یا عملکردی بودن جهش‌های یافت شده یکسری آنالیزها بایستی انجام بگیرد که عبارتند از تایید آماری در جامعه، تایید بیوانفورماتیکی به روش الگوریتم‌هایی از قبیل برهمکنش فیزیکی پروتئین‌ها، هوش مصنوعی و غیره، تایید به روش بیان نابجا (Ectopic expression)، تفاوت بیان mRNA یا پروتئین در بافت‌های مختلف

کاربرد واریانتهای ژنتیکی یا ژن‌های شناسایی شده مرتبط با صفات عملکردی و ریخت‌شناختی برای برنامه‌های اصلاح نژادی، تفکیک و تقسیم بندی نژادها:

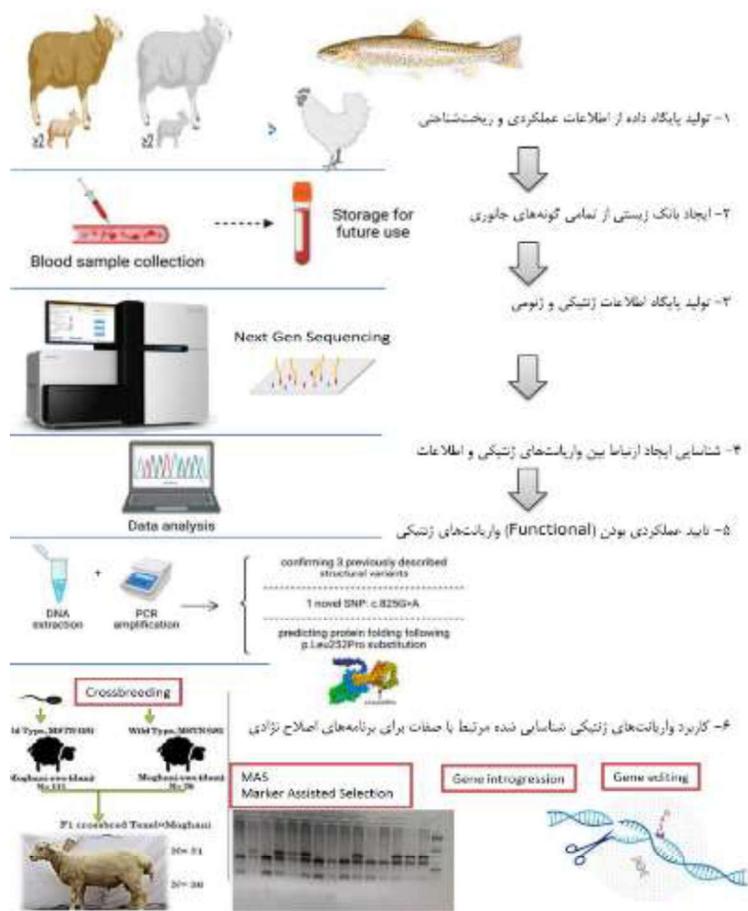
پس از شناسایی و تایید جهش ژنی کنترل کننده صفت به عنوان جهش عامل می‌توان آن جهش ژنی را در برنامه اصلاحی به روش انتخاب (MAS)، داخل‌سازی ژنی (Gene introgression)، آمیخته‌گری (Crossbreeding) و ویرایش ژنی (Gene editing) به روش تکنیک CRISPR، پلاسمید و غیرفعال سازی (Gene knockout) و .. مورد استفاده قرار داد.

❖ کشورهای صاحب فناوری

نام کمپانی اصلاح نژاد	کشور بهره‌مند	سویه‌های ژنتیکی سنتزی	وبسایت
اینرا INRAe	فرانسه	Romane (INRA 401)	http://en.france-genetique-elevage.org/Romane.393.html
تاملت Alpha Sheep Genetics	نیوزلند	Romney, Coopworth, Romtex, Cooptex, Texel, Suftex	https://www.alphasheepgenetics.co.nz/Tamlet-Farm/
NEOGEN	آمریکا	Texel	https://www.neogen.com

³ Partial Sequencing 9
⁴ Whole Genome Sequencing 0
⁴ Sanger 1
⁴ National Species of Iranian Biotechnology
⁴ Causal 3

وبسایت	سویه‌های ژنتیکی سنتزی	کشور بهره‌مند	نام کمپانی اصلاح نژاد
https://cielivestock.co.uk/member-spotlights/texel/	Texel	بریتانیا	CIEL Centre for Innovation Excellence in Livestock
https://www.une.edu.au/about-une/faculty-of-science-agriculture-business-and-law/school-of-environmental-and-rural-science/study-areas/meat-science	Meat quality traits in sheep	استرالیا	University of New England (UNE)
https://alburyestatefisheries.co.uk/	rainbows and browns	بریتانیا-لندن	Albury Estate Fisheries Ltd.
http://jmclayton.com/	Tilapia and Rainbow Trout	ایالات متحده- میامی-فلوریدا	Aquabest Seafood LLC
https://www.cermaq.com/	salmon and trout	نوروژ-اسلو	Cermaq Group AS
https://www.clearsprings.com/	Rainbow Trout	Buhl, Idaho, United States	Clear Springs Foods LLC
https://griegseafood.com/	Atlantic salmon	Bergen, Hordaland, Norway	Grieg Seafood ASA
https://www.leroyseafood.com/en/	salmon and trout	Bergen, Norway	Lerøy Seafood Group ASA



برنامه اصلاح ژنتیک مولکولی گونه‌های جانوری مبتنی بر فناوری‌های ۱ تا ۶